I+D+i

PROYECTO DE INVESTIGACIÓN 02

Título del proyecto:	**Efecto de los haplotipos de los genes de la caseínas y de los genes relacionados con el metabolismo de ácidos grasos sobre la composición y propiedades de la leche de cabra Murciano -Granadina.**
Entidad financiadora:	Plan Nacional de I+D+i - Ministerio de Ciencia y Tecnología
Duración:	2002/2006
Investigador principal:	Juan Manuel Serradilla Manrique
Investigadores participantes:	6
Entidad/Org. responsable:	Facultad de Veterinaria. Universidad de Cordoba
Participación de KPRA:	Entidad colaboradora y participativa en todos los ensayos propios del proyecto

OBJETIVOS:

1.- Estimación de los posibles efectos, para cada gen por separado y para haplotipos de las variantes extremas (excluidos los alelos nulos), de las variantes de los genes mayores de la caseína αs1 (CSN1S1), de la caseína αs2 (CSN1S1) y la caseína κ (CSN3) sobre los caracteres de producción, composición (contenidos de extracto seco, grasa, proteína, caseína total y fracciones de la caseína), propiedades de coagulación, rendimiento quesero y características organolépticas (sabor específico) de la leche de la raza caprina Murciano-Granadina.
2.- Estimación de los efectos de los alelos nulos de los genes CSN1S1, CSN1S2 y CSN2 sobre la composición proteica y características tecnológicas de la leche de la raza Murciano-Granadina
3.- Identificar posibles mutaciones localizadas en la secuencia codificante de los genes acetil CoA carboxilasa α (ACACA), sintasa de ácidos grasos (FASN), diaglicerol aciltransferasa (DGAT), lipoprotein lipasa (LL) y estearoil CoA desaturasa (SCD). En el caso de que se identifique un polimorfismo genético en alguno de estos genes, se estimará el efecto que dicho polimorfismo tiene sobre los caracteres mencionados en el objetivo 1, particularmente sobre el contenido de grasa de la leche, el rendimiento quesero y las características organolépticas de la leche y el queso. (La consecución de esta segunda parte de este objetivo dependerá de la posible identificación de variantes genéticas con una frecuencia significativa en los mencionados genes a lo largo del primer año del proyecto)

NOTAS: