Título del proyecto:	**Análisis genético del contenido y composición de la grasa de la leche de cabra.**
Entidad financiadora:	INIA- FEDER AGL2007-66161-C02-01/GAN
Duración:	2007/2010
Investigador principal:	Juan Manuel Serradilla Manrique
Investigadores participantes:	6
Entidad/Org. responsable:	Facultad de Veterinaria. Universidad de Cordoba
Participación de KPRA:	Entidad colaboradora y participativa en todos los ensayos propios del proyecto

OBJETIVOS:

1. Caracterizar molecularmente los genes de la enzima málica 1 (ME1), lipasa sensible a hormonas (LIPE), Estearoil-CoA desaturasa (SCD) y los receptores de la prolactina (PRLR) y CD·&, que interviene en el metabolismo de los ácidos grasos de la leche, y buscar los posibles polimorfismos de un solo nucleótido (SNP).
2. Poner a punto procedimientos de determinación rápida del genotipo en los loci de estos genes en los que se detecten SNPs.
3. Profundizar en el análisis de la asociación entre los polimorfismos de los genes de la lipo-protein lipase (LPL) y la acetyl-coenzime A carboxilase (ACACA) con los caracteres de composición de la leche (particularmente el contenido en grasa), la composición de la grasa (proporción de los diferentes ácidos grasos) y la propiedades reológicas de la leche (tiempo de cuajado, firmeza de la cuajada y rendimiento de la cuajada).
4. Llevar a cabo un análisis de la posibles asociaciones entre los caracteres mencionados en el apartado anterior y los posibles polimorfismos que se encuentren en el resto de los genes caracterizados, mencionados en el objetivo 1.
5. Obtener una estima de la heredabilidad del contenido de grasa en la leche de la razas Malagueña y Murciano-Granadina y una primera estima de la variación genética en la composición de ácidos grasos.
6. Estudiar el posible efecto de interacción entre los genotipos del locus G50C del gen LPL y del locus C5410T y el tipo de grasa en la dieta (normal vs. Protegida) sobre el contenido y la composición de la grasa de la leche.
7. Estudiar el posible efecto de interacción entre los genotipos del locus C5410T del gen ACACA y el tipo de grasa en la dieta (normal vs. Protegida) sobre el contenido y la composición de la grasa de la leche.
8. Caracterización molecular de la flora microbiana correspondiente a quesos obtenidos de cabras con genotipo CSN1S1 BB, EE, FF con la finalidad de determinar si el genotipo CSN1S1 tiene algún efecto sobre el crecimiento de determinadas especies de microorganismos.

NOTAS: